

# Datasets

Meaningful analysis requires carefully collected data. The Sci2 Tool can import many varieties of scientometric data, outlined in section [4.2 Data Acquisition and Preparation](#), but the tool also comes bundled with several sample datasets. These are the datasets used throughout sections [4 Workflow Design](#) and [5 Sample Workflows](#):

- Geo
  - [address.csv](#)
  - [usptoInfluenza.csv](#)
  - [zip code.csv](#)
- Network
  - [convertGraph\\_v0.8.0.graphml](#)
  - [kidscontest.net](#)
  - [netsci06-conference.net](#)
  - [seiyu.graphml.xml](#)
- Scientometrics
  - Bibtex
    - [Bibsonomy.bib](#)
    - [LaszloBarabasi.bib](#)
  - CSV
    - [LaszloBarabasi.csv](#)
  - Endnote
    - [KatyBorner.enw](#)
    - [LaszloBarabasi.enw](#)
  - ISI
    - [AlessandroVespignani.isi](#)
    - [EugeneGarfield.isi](#)
    - [FourNetSciResearchers.isi](#)
    - [LaszloBarabasi.isi](#)
    - [Scientometrics.isi](#)
    - [StanleyWasserman.isi](#)
    - [Test5Papers.isi](#)
    - [ThreeNetSciResearchers.isi](#)
  - Models
    - TARL
      - [agingfunction.txt](#)
      - [iniscrypt.tarl](#)
  - NIH
    - [CTSA2005-2009.xls](#)
  - NSF
    - [BethPlale.nsf](#)
    - [Cornell.nsf](#)
    - [GeoffreyFox.nsf](#)
    - [Indiana.nsf](#)
    - [KatyBorner.nsf](#)
    - [MichaelMcRobbie.nsf](#)
    - [Michigan.nsf](#)
  - Properties
    - [bibtexCoAuthorship.properties](#)
    - [endnoteCoAuthorship.properties](#)
    - [isiCoAuthorship.properties](#)
    - [isiCoCitation.properties](#)
    - [isiPaperCitation.properties](#)
    - [mergeBibtexAuthors.properties](#)
    - [mergeEndnoteAuthors.properties](#)
    - [mergeIsciAuthors.properties](#)
    - [mergeIsciPaperCitation.properties](#)
    - [mergeScopusAuthors.properties](#)
    - [scopusCoAuthorship.properties](#)
    - [mergeNsfPIs.properties](#)
    - [mergeNsfPIs-pre2014.properties](#)
    - [nsfCoPI.properties](#)
    - [nsfCoPI-pre2014.properties](#)
    - [nsfPIToProject.properties](#)
    - [nsfPIToProject-pre2014.properties](#)
  - Scopus
    - [BrainCancer.scopus](#)
  - SDB
    - RNAi
      - [Medline\\_co-author\\_table\\_\(nwb\\_format\).csv](#)
      - [Medline\\_master\\_table.csv](#)
      - [USPTO\\_citation\\_table\\_\(nwb\\_format\).csv](#)